

ISBN 978-86-7520-189-2



UNIVERZITET U NOVOM SADU
UNIVERSITY of NOVI SAD
POLJOPRIVREDNI FAKULTET
FACULTY of AGRICULTURE



DEPARTMAN ZA STOČARSTVO
DEPARTMAN ZA VETERINARSKU MEDICINU
DEPARTMAN ZA EKONOMIKU POLJOPRIVREDE I SOCIOLOGIJU SELA

SIMPOZIJUM / SYMPOSIUM

**"STOČARSTVO, VETERINARSKA MEDICINA I EKONOMIKA
U RURALNOM RAZVOJU I PROIZVODNJI
ZDRAVSTVENO BEZBEDNE HRANE"**

**"ANIMAL HUSBANDRY, VETERINARY MEDICINE AND
ECONOMICS IN RURAL DEVELOPMENT AND THE
HEALTHY AND FOOD SAFETY PRODUCTION"**

sa međunarodnim učešćem / *with the international participation*

ZBORNIK KRATKIH SAŽETAKA
PROCEEDING ABSTRACTS

Divčibare, 20. - 27. jun 2010.

21. **S i m p o z i j u m** »Stočarstvo, veterinarska medicina i ekonomika u ruralnom razvoju i proizvodnji zdravstveno bezbedne hrane«, sa međunarodnim učešćem
21. **S y m p o s i u m** »Animal husbandry, veterinary medicine and economics in rural development and the healthy and food safety production«, with the international participation
Divčibare, 20. – 27. Jun, 2010.

Monitoring varijabilnosti mikrosatelita u populacijama zeca Vojvodine

M. Vapa^{1*}, M. Đan², N. Veličković², D. Obreht², M. Beuković¹, Lj. Vapa²

¹Poljoprivredni fakultet, Srbija, 21000 Novi Sad, ²Prirodno-matematički fakultet, Trg Dositeja Obradovića 2, 21000 Novi Sad, Srbija

Utvrđivanje i praćenje genetičke varijabilnosti prirodnih populacija divljači predstavlja osnovu za pravilan ekološki menadžment i biološku konzervaciju različitih vrsta. Analizama genetičke varijabilnosti populacija zeca Vojvodine primenom mikrosatelita u periodu do 2006. godine preporučeno je optimalni trogodišnji period monitoringa genetičke varijabilnosti ovih populacija. Cilj ovog rada je bio da se ustanovi varijabilnost mikrosatelita u populacijama zeca Vojvodine u periodu lovne sezone 2008/09. Ukupno je analizirano 60 jedinki iz populacija zeca Bačke, Banata i Srema i tri mikrosatelitska lokusa: *Sat2*, *Sat5* i *Sat12*. Novi aleli nađeni su u lokusima *Sat5* i *Sat12*. U lokusu *Sat5* nađeno je čak 10 novih alela u sve tri populacije, dok tri ranije potvrđena nisu nađena u analiziranom uzorku. U lokusu *Sat12* nađeno je 6 novih alela, a pored toga potvrđeno je i prisustvo svih ranije nađenih alela ovog lokusa. U lokusu *Sat2* ustanovljeni su svi ranije nađeni aleli. Da bi se sagledala ukupna razlika genetičke varijabilnosti između dva perioda, neophodno je analizirati još tri ranije primenjena mikrosatelitska lokusa (*Sol33*, *Lsa2* i *Lsa3*), nakon čega će biti moguće uporediti vrednosti uočene heterozigotnosti i genetičkog diverziteta populacija.

Monitoring of microsatellite variability in brown hares from Vojvodina

M. Vapa^{1*}, M. Đan², N. Veličković², D. Obreht², M. Beuković¹, Lj. Vapa²

¹Faculty of Agriculture, 21000 Novi Sad, ²Faculty of Science, Dositeja Obradovića 2, 21000 Novi Sad, Serbia

Determination and monitoring of genetic variability in natural game populations is the basis for adequate ecological management and biological conservation of different species. Analyses of genetic variability in brown hare populations from Vojvodina using microsatellites in a period before 2006. recommended optimal three-year monitoring period for these populations. The aim of this paper was the analysis of microsatellite variability in brown hares from Vojvodina during hunting season 2008/09. In total 60 individuals were analysed from Backa, Banat and Srem populations using three microsatellite loci: *Sat2*, *Sat5* i *Sat12*. New alleles were detected at loci *Sat5* and *Sat12*. At *Sat5* locus 10 new alleles were determined in all three populations, while three of before found couldn't be detected in analysed sample. At *Sat12* locus 6 new alleles were found, and all previously found alleles of this locus were confirmed. At *Sat2* locus all expected alleles detected before in brown hares from Vojvodina were present. In order to determine overall difference in genetic variability between two time periods, it is necessary to analyse additional three loci (*Sol33*, *Lsa2* i *Lsa3*), and after these analyses to compare values of observed heterozygosity and genetic diversity within and among populations.